

АННОТАЦИЯ

выпускной квалификационной работы по теме

«Особенности использования современной автоматической системы VITEK 2 compact 30 для идентификации микроорганизмов *Burkholderia seracis*».

Исполнитель: студентка 401 группы медико-биологического факультета Волгоградского государственного медицинского университета А.В. Куликова (направление подготовки «Биология», профиль «Генетика»)

Научный руководитель: старший преподаватель кафедры молекулярной биологии и генетики, к.б.н. Е.В. Молчанова

Научный консультант: научный сотрудник лаборатории геномики и протеомики ФКУЗ Волгоградский научно-исследовательский противочумный институт Роспотребнадзора, Я.А. Лопастейская

Сроки выполнения: 2015-2016 уч. год

Цель работы: изучить особенности идентификации микроорганизмов группы *B. seracis* с помощью современной автоматической системы VITEK 2 compact 30.

Задачи исследования.

1. Рассмотреть бактериологический анализатор VITEK 2 compact 30, отработать условия и методику работы с использованием штаммов *B. seracis*.
2. Идентифицировать принадлежность исследуемых культур как вид *B. seracis* с использованием автоматизированной системы.
3. Выявить отличительные особенности в биохимических свойствах некоторых диагностируемых штаммов *B. seracis* от классического профиля штамма-эталона, обуславливающих их возможную ложную идентификацию.

Дизайн исследования:

Для изучения особенностей идентификации микроорганизмов группы *B. seracis* с помощью современной автоматической системы VITEK 2 compact 30 на первом этапе необходимо:

- 1.1. Выбрать штаммы группы *B. seracis* для идентификации, принадлежащие к различным геномоварам и обладающие различным фенотипом;
- 1.2. Ознакомиться и подготовить для работы автоматический бактериологический анализатор VITEK 2 compact 30.

II. На втором этапе исследования произвести пробоподготовку исследуемых отобранных культур и их идентификацию.

III. Рассмотреть результаты идентификации, выявить основные биохимические тесты с нетипичными показателями, приводящие к ложной и некорректной диагностике и определить корреляцию этих данных с принадлежностью к геномоварам.

Предполагаемые пути решения задач:

Для изучения особенностей идентификации микроорганизмов группы *B. cereus* с помощью современной автоматической системы VITEK 2 compact 30 будут использованы материалы, предоставленные ФКУЗ Волгоградский научно-исследовательский противочумный институт Роспотребнадзора.

Во время проведения идентификации будут выявлены основные биохимические тесты с нетипичными показателями, приводящие к ложной и некорректной диагностике *B. cereus* и проведена корреляция этих данных с принадлежностью культур к различным геномоварам.

Исполнитель:

Студентка направления подготовки Биология
профиль «Генетик»

А.В. Куликова

Научный руководитель:

Старший преподаватель кафедры молекулярной
биологии и генетики, к.б.н.

Е.В. Молчанова

Научный консультант:

научный сотрудник лаборатории геномики
и протеомики ФКУЗ Волгоградский
научно-исследовательский противочумный
институт Роспотребнадзора,

20.10.15

Я.А. Лопастейская